

# NGS Basic

- [Assemble Genomes with SPAdes Element](#)
- [CASAVA FASTQ Filter Element](#)
- [Cut Adapter Element](#)
- [Extract Consensus from Assembly Element](#)
- [Extract Coverage from Assembly Element](#)
- [FASTQ Merger Element](#)
- [FASTQ Quality Trimmer Element](#)
- [FastQC Quality Control Element](#)
- [Filter BAM/SAM Files Element](#)
- [Genome Coverage Element](#)
- [Merge BAM Files Element](#)
- [Remove Duplicates in BAM Files Element](#)
- [Slopbed Element](#)
- [Sort BAM Files Element](#)